# SENCKENBERG research











Images by: P. Tran

### Diversität und Struktur von Ackerwildkraut-Populationen in Deutschland

Das Projekt wird gefördert durch das Bundesamt für Naturschutz mit Mitteln des Bundesministeriums für Umwelt, Naturschutz, nukleare Sicherheit und Verbraucherschutz.

Im Auftrag des:





### Projekt Partner: GISA

- Senckenberg Museum für Naturkunde, Görlitz: Philipp Tran, Karsten Wesche, Veit Herklotz, Christiane Ritz & Stefan Meyer
- Stiftung Rheinische Kulturlandschaft, Bonn: Heiko Schmied & Laura Fortmann
- Forschungszentrum Jülich, Jülich:
  Björn Usadel

Zeitplan: 3 Jahre ab November 2022

Sammeln, Nasslabor, Analyse ...

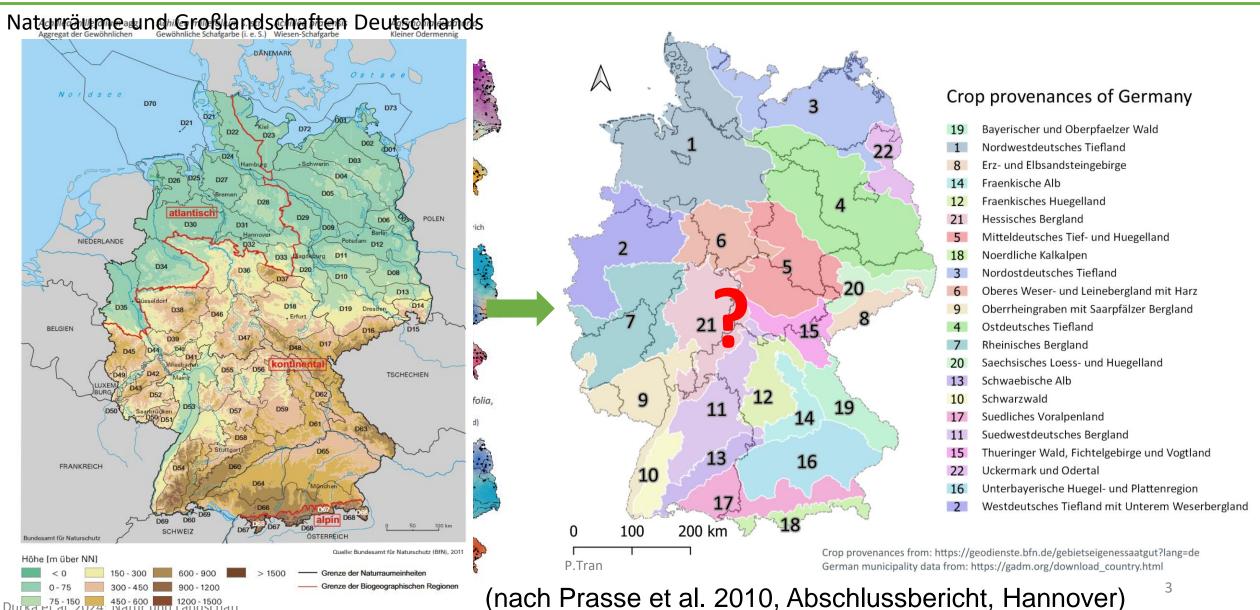
Verlängert bis 2026







### Hintergrund



75 - 150 450 - 600 1200 - 1500 Durka et al. 2024; Natur una Lanuschiari

## Fragestellungen

- 1. Wie viel innerartliche Vielfalt zeigen AKW-Populationen (noch)?
- 2. Werden die HKR durch die Genetik der AKW widergespiegelt?
- 3. Ist regionales Saatgut als Schutzmaßnahme sinnvoll?



## Sammelstrategie

(Papaver rhoeas)

2	Population	en/Herkur	nftsregion
---	------------	-----------	------------

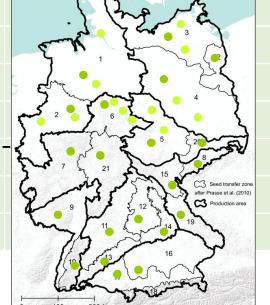
#### 1. ddRAD-seq

- Innerartliche Vielfalt
- 10 x Ind./Pop.
- **>** 2023 + 2024:
- > 12.000 Blattproben

Ungefährdet, weit verbreitet	Selten, gefährdet, Leittaxa	Sehr selten, relevant Artenschutz
Anagallis arvensis	Agrostemma githago	Euphorbia falcata
Anchusa arvensis	Arnoseris minima	Legousia hybrida
Centaurea cyanus	Consolida regalis	Nigella arvensis
Lamium purpureum	Glebionis segetum	Stachys annua
Matricaria chamomilla	Lathyrus tuberosus	Bupleurum rotundifolium
Thlaspi arvense	Legousia speculum-veneris	The re
Papaver rhoeas	Odontites vernus	Enky Jews
	Papaver argemone	Elizabeth State of the state of
	Valerianella dentata	port 2 6 de la companya de la compan
(Centaurea cyanus)		5 Seed after Prasse

### 2. Pool-Seq + Anzucht

- Mikroevolution
- 75 x Ind./Pop.



### Laborarbeit, Zwischenstand, ddRADseq

#### Gesamtanzahl der Gewebeproben 2023 & 2024:



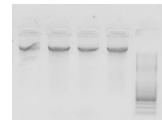
12195



Anzahl an extrahierter DNA: 2727

Sequencing primer for single end reads







Anzahl an DNA - "Bibliotheken": 34x (je 96 Individuen)

	$\downarrow$	$\downarrow$
5'	AATGATACGGCGACCACCGAGATCTACACTCTTTCCCTACACGACGCTCTTCCGATCTaattaAATTCNNNNC	ICCGAGATCGGAAGAGCACACGTCTGAACTCCAGTCACatcacgATCTCGTATGCCGTCTTCTGCTTG 3'

<sup>3&#</sup>x27; TTACTATGCCGCTGGTGGCTCTAGATGTGAGAAAGGGATGTGCTGCGAGAAGGCTAGAttaatTTAAGNNNNNGGCTCTAGCCTTCTCGTGTGCAGACTTGAGGTCAGTGtagtgcTAGAGCATACGGCAGAAAGACGAAC 5'

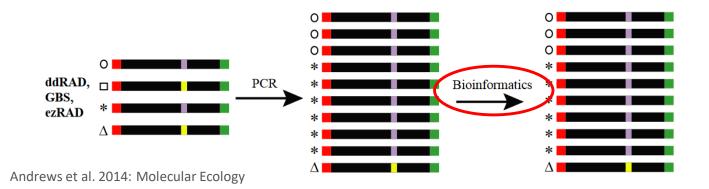
Art	Laborarbeit	Daten?	Analysestatus
Anchusa arvensis	fertig	vorhanden	untersucht
Agrostemma githago	fertig	vorhanden	untersucht
Thlaspi arvense	fertig	vorhanden	untersucht
Bupleurum routundifolio	fertig	vorhanden	untersucht
Anagallis arvensis	fertig	vorhanden	untersucht
Glebionis segetum	fertig	vorhanden	untersucht
Valerianella dentata	fertig	vorhanden	untersucht
Euphorbia falcata	fertig	vorhanden	untersucht
Lathyrus tuberosus	fertig	vorhanden	untersucht
Odontites vernus	fertig	vorhanden	untersucht
Lamium purpureum	fertig	vorhanden	/
Matricaria recutita	fertig	vorhanden	/
Arnoseris minima	fertig	vorhanden	/
Stachys annua	fertig	vorhanden	/
Nigella arvensis	fertig	vorhanden	/
Papaver rhoeas	fertig	/	/
Legousia hybrida	fertig	/	/
Legousia speculum-ven	fertig	/	/
Consolida regalis	fertig	/	/
Centaurea cyanus	50%	/	/
Papaver argemone	25%	/	/

Primer for multiplex index reads

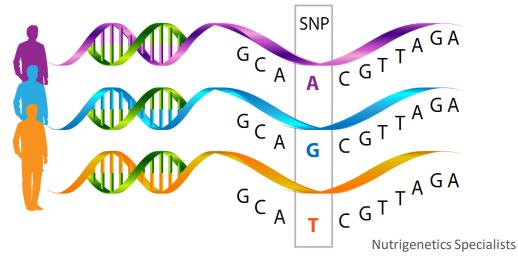
### Bioinformatik/Datenanalyse

### Innerartliche Vielfalt (ddRADSeq)

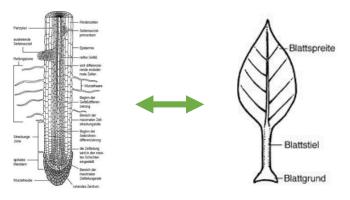
Marker-Analyse durch Einzelnukleotid-Polymorphismen
 (SNPs) im ganzen Genom



• **STACKS pipeline** für Genotypisierung Homologer Genabschnitte (Loci)

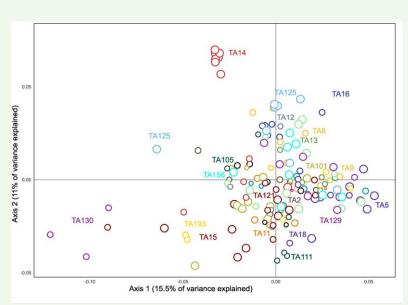


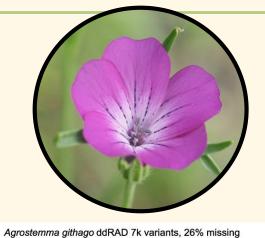
### = vergleichbare Merkmale

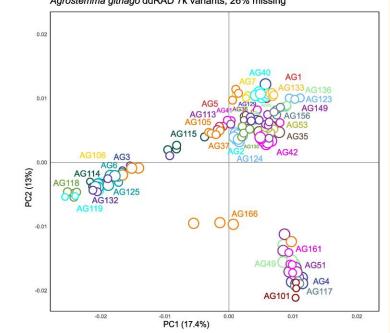


## Übersicht

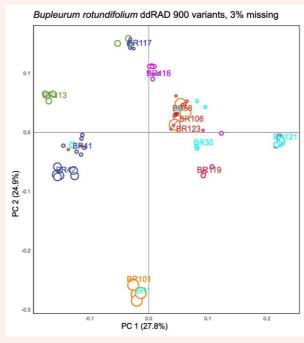




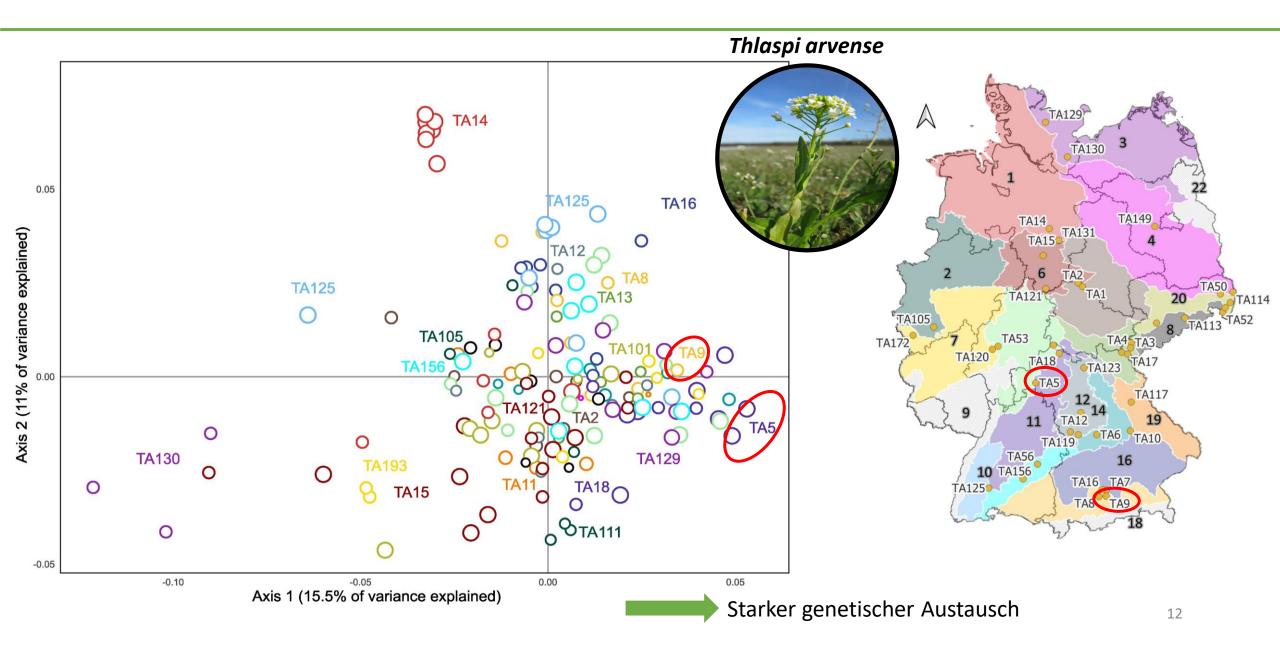




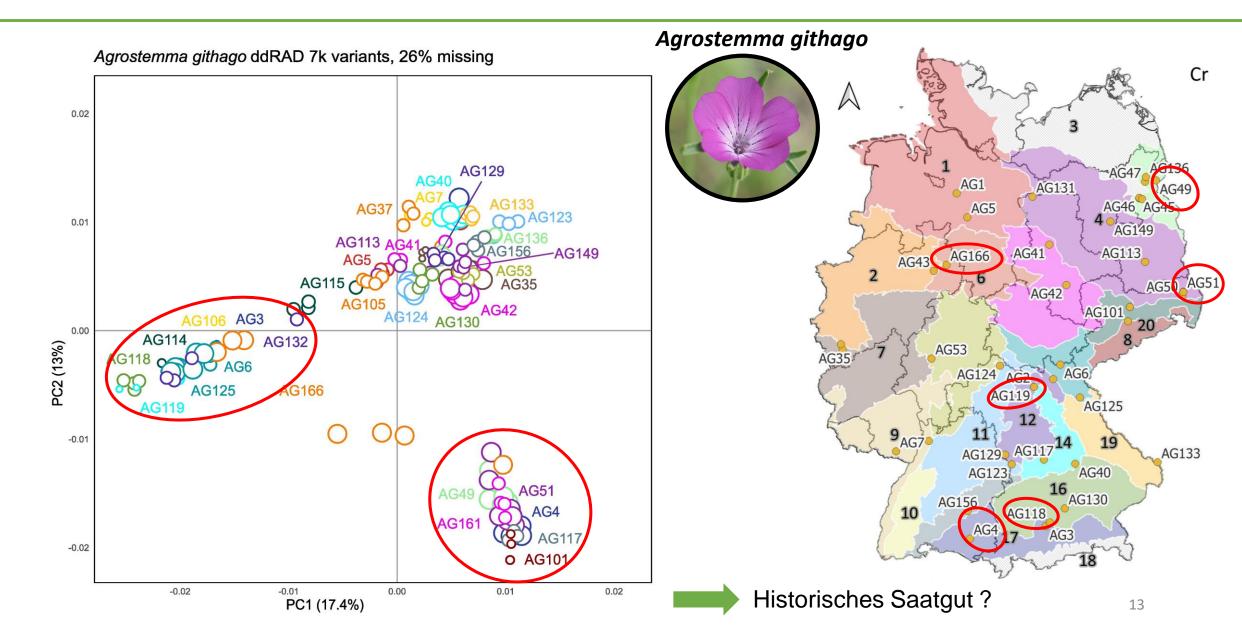


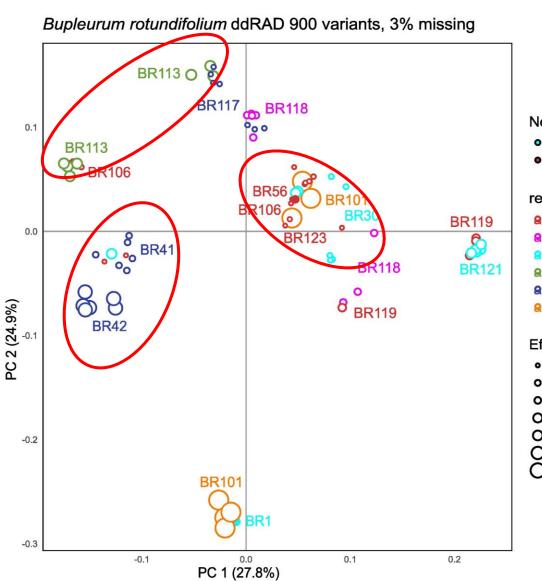


### Generalisten



### Arten-spezifische Strukturen







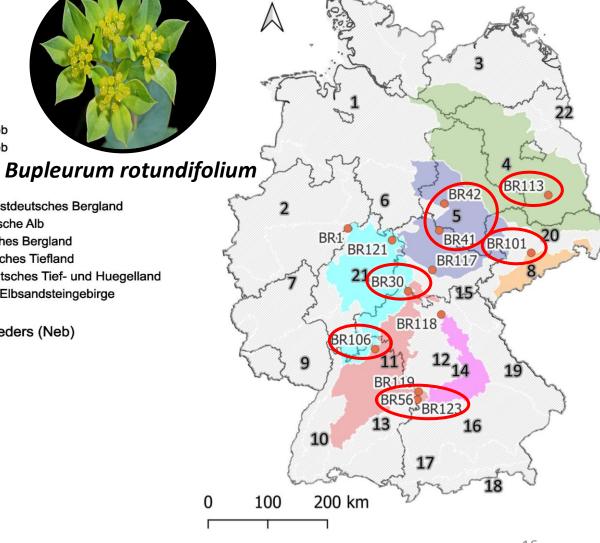
- Missing Neb
- Missing Neb

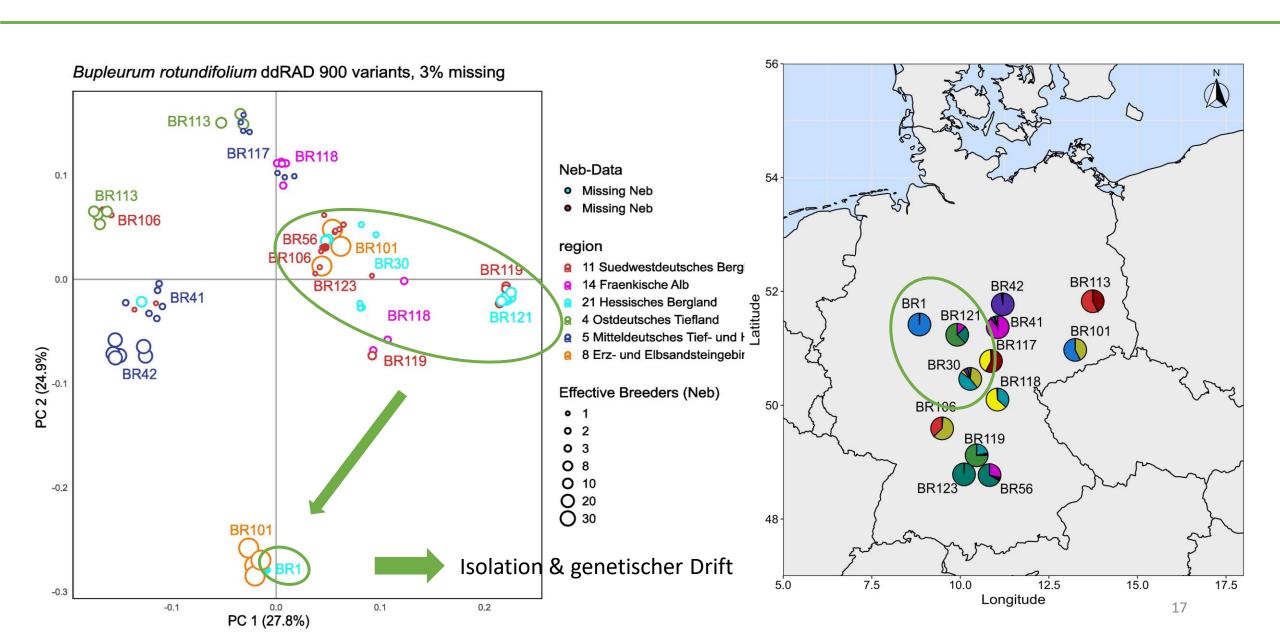
#### region

- **9** 11 Suedwestdeutsches Bergland
- 14 Fraenkische Alb
- 21 Hessisches Bergland
- **9** 4 Ostdeutsches Tiefland
- **9** 5 Mitteldeutsches Tief- und Huegelland
- 8 Erz- und Elbsandsteingebirge

#### Effective Breeders (Neb)

- 0 2
- **o** 3
- 0 8
- O 10
- O 20
- O 30





## Zusammenfassung

• Seltene/bedrohte Arten zeigen mehr genetische Strukturen + Isolation

Häufig/weit verbreitete Arten haben keine Strukturen + hohen Genfluss

• Generell: Strukturen passen nicht mit HKRs zusammen

### Besonderen Dank an:

#### Im Auftrag des:





#### **SENCKENBERG**

world of biodiversity

Bettina Schlitt Michaela Schwager



Mareike Kavka



Viven Rosenthal Sahrah Spettmann



Barbara Dietsch

#### alle sammelnde Personen!

Bergknecht, Pia	John, Maria	Schmied, Heiko
Bind, David Alexander	Kessler, Rebecca	Schönhofer, A.
Bläss, Christine	Klärner, Diemut	Schönhofer, A., Doeker A.
Bleeker, Walter	Kreppold, Anna	Schönhofer, Axel
Brandenburger, Anne	Kühne, Pierre	Schuhmacher, Anna, Lena Hertel
		Schumacher, Anna (Stiftung
Bringmann, Böbel	Lepp, Tobias & Natascha	Kulturlandschaft ST)
Bringmann, Jürgen	Lorenz, Antje	Schürlein, Bernhard (Meyer)
Cichocki, J, Jordans H.,		
Quinkenstein T.	Lorenz, Jörg	Schwager, Michaela
Clauß, Leonie (Ansprechpartner		
Jürgen Rusch)	Luther, Svenja	Seitz, Hans
Deventer, Monika	Luther, Svenja, Günther H.	Striebl, Uta, Gade, Florian, Rumpf, Ursula
Doeker, A., Zöttler Mario	Mainz, A.K., Stumpf	Stubal, Wolfgang (Meyer)
Doeker, Anja, Schönhofer, Axel	Mause, Rene	Tautz, Peter
Dötsch, Felix	Meyer, Stefan	Teuser, Anne
Dunkel, Franz (Meyer, Stefan)	Müller, Christian	Timmermann-Trosiener, I.
Fick, Manoel	Naudascher, Laura	Ulmer, Alexander
Fleischmann, Lisa	Plagemann, Ines	Vincze, Anna
Fortmann, Laura	Ritz, Christiane	Vollmar, Jürgen
Gottwald, F.	Ruhnau, Johanna	Weiß, K. + M.
Günther, heike	Schertler, Katharina	Wesche, Karsten
Händler, Arthur	Schlitt, Bettina	Woschee, Rainer (Meyer, Stefan)
Hecht, Julia	Schmelzer, Martin	Zettl, Freya
Jentgens, Ronja	Schmidt, Erwin	Zwiebel, Lutz
	Schmidt, Laura	

